

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome	PIGOLA GIUSEPPE MARIA
Indirizzo	VIA GARIBALDI, 277 – 94017 – REGALBUTO – ENNA – ITALIA
Telefono	0935 72345
Cellulare	+39 338 13 02 245
Fax	
E-mail	gpigola@gmail.com
Codice Fiscale	PGLGPP71H02C351N
Nazionalità	Italiana
Data di nascita	02/06/1971

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 15/05/2015 al 14/11/2015 Contratto di Collaborazione nell'ambito del progetto Diamond HV.
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Dipartimento di Scienze Biomediche e Biotecnologiche. Via Androne 81, Catania.
 - Tipo di azienda o settore Università degli studi di Catania.
 - Tipo di impiego Contratto di collaborazione.
- Principali mansioni e responsabilità Sviluppo di una piattaforma bioinformatica per elaborazione di dati di Next Generation Sequencing.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 01/07/2015 al 31/08/2015 Contratto di Collaborazione nell'ambito del progetto N.U.M.I.
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Dipartimento di Ingegneria elettrica, elettronica e informatica, Viale A. Doria 6, Catania.
 - Tipo di azienda o settore Università degli studi di Catania.
 - Tipo di impiego Contratto di collaborazione.
- Principali mansioni e responsabilità Studio di un sistema per l'interazione uomo/computer tramite le nuove tecnologie di riconoscimento sensoriale, morfologico, facciale e voce a distanza.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 28/11/2011 al 31/05/2015 Dipendente IGA Technology Services di Udine.
- Nome e indirizzo del datore di lavoro IGA Technology services, Via J. Linussio, 51 - Z.I.U. Udine 33100 Italy
 - Tipo di azienda o settore Azienda spin-off dell'Università di Udine, produce sequenziamenti di genomi di vegetali e animali.
 - Tipo di impiego Dipendente a tempo determinato.
- Principali mansioni e responsabilità Incaricato per il trattamento di dati di Next Generation Sequencing, Assembly de-novo, e analisi di dati nel progetto CITRUS. Analisi di dati di RNA-seq per il progetto BIOWINE.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 15/09/2014 al 15/05/2015
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Contratto di Collaborazione nell'ambito del progetto SIGMA.

Dipartimento di Ingegneria elettrica, elettronica e informatica, Viale A. Doria 6, Catania

Università degli studi di Catania.

Contratto di collaborazione.

Studio e progettazione di una piattaforma basata su Cloud per la raccolta ed il processamento di dati provenienti da reti dense di sensori.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 07/03/2014 al 09/05/2014
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

I.S.I.S.S. "Fortunato Fedele", Piazza Europa 6, 94011 – Agira (EN).

Scuola Pubblica.

Docente del corso di Informatica "Imparo con il computer 1" (30 ore) per il conseguimento della Patente Europea del Computer (o equivalente). PON FSE 2007-2013, progetto C-1-FSE-2013-1638.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 07/03/2014 al 09/05/2014
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

I.S.I.S.S. "Fortunato Fedele", Piazza Europa 6, 94011 – Agira (EN).

Scuola Pubblica.

Docente del corso di Informatica "Imparo con il computer 2" (30 ore) per il conseguimento della Patente Europea del Computer (o equivalente). PON FSE 2007-2013, progetto C-1-FSE-2013-1638.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 13/01/2014 al 11/02/2014
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Contratto di collaborazione occasionale.

Dipartimento di Biomedicina clinica e molecolare.

Università.

Realizzazione di una interfaccia informatica per l'analisi di dati di Next Generation Sequencing. (PON FESR 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 17/10/2013 al 29/10/2013
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania.

Università.

Docente del corso di Bioinformatica (10 ore) e Data Analysis and Management nel Secondo Master di II livello in "Diagnostica molecolare e biomedicina traslazionale" indetto dalla Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 20/06/2013 al 18/07/2013
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania.

Università.

Docente del corso di Informatica (15 ore) nel Secondo Master di II livello in "Monitoraggio e valutazione del rischio ambientale, mutageno, cancerogeno e teratogeno" indetto dalla Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 12/03/2013 al 17/05/2013
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

Istituto Comprensivo G. F. Ingrassia, via Mons. Piemonte, 2 - Regalbuto

Scuola Pubblica.

Docente di informatica (15 ore) nel progetto "Con L'Europa, investiamo nel vostro futuro". PON F-1-FSE-2011-516.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 01/06/2011 al 27/11/2011
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Assegnista di ricerca.

Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università degli studi di Catania.

Università.

Ricercatore nell'ambito Informatica - Bioinformatica.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 18/07/2011 al 29/07/2011
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania.

Università.

Docente del corso di Informatica (15 ore) nel Master di II livello in "Monitoraggio e valutazione del rischio ambientale, mutageno, cancerogeno e teratogeno" indetto dalla Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 18/07/2011 a 29/07/2011
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Bioinformatica.

Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania.

Università.

Docente del corso di Bioinformatica (10 ore) e Data Analysis and Management nel Master di II livello in "Diagnostica molecolare e biomedicina traslazionale" indetto dalla Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università di Catania (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 07/12/2010 a 22/02/2011
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Matematica.

Istituto Comprensivo Statale "A. Narbone" di Caltagirone

Scuola Pubblica.

Docente di Matematica (15 ore) nel progetto "Il lavoro che include" indetto dall'Istituto Comprensivo Statale "A. Narbone" di Caltagirone (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 07/12/2010 a 22/02/2011
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Docente di Informatica.

Istituto Comprensivo Statale "A. Narbone" di Caltagirone

Scuola Pubblica.

Docente di informatica (30 ore) nel progetto "Il lavoro che include" indetto dall'Istituto Comprensivo Statale "A. Narbone" di Caltagirone (POR FSE 2007-2013 della regione Sicilia).

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 01/02/2010 a 30/11/2010
- Nome e indirizzo del datore di

Docente di Informatica, Banche Dati e Genomica.

CNR di Catania.

lavoro

- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Ente di Ricerca Pubblico.

Docente di Informatica (300 ore) di "Banche dati e Genomica", presso il CNR, Istituto di Biostrutture e Bioimmagini, Unità organizzativa di Catania.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 01/02/2006 al 31/01/2010
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Assegnista di ricerca.

Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università degli studi di Catania.

Università.

Ricercatore nell'ambito Informatica – Bioinformatica.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Dal 01/10/2002 al 30/04/2003
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Collaborazione Scientifica.

Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università degli studi di Catania.

Università.

Contrattista Ricercatore per il Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università degli studi di Catania.

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Anno accademico 2002/2003
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

Tutor di Bioinformatica.

Istituto Superiore dell'Università degli studi di Catania.

Università.

Tutor di Bioinformatica (4 ore) nel Master universitario di II livello in "Biotecnologie per la difesa sostenibile delle colture e delle produzioni agro-alimentari" indetto dall'Istituto Superiore di Catania per la Formazione di Eccellenza e tenutosi nell'anno Accademico 2002/2003.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- 8/03/2006
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

Dottorato di Ricerca in "Matematica per la Tecnologia" (ambito Informatico - Bioinformatico)

Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università di Catania (Università Consorziata: Kaiserslautern, Germany).

Informatica, Bioinformatica.

Ph.D.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- 26/07/2002
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

Laurea in Scienze dell'informazione con votazione 110/110 e lode, all'indirizzo "Generale, Linguaggi".

Dipartimento di Matematica e Informatica dell'Università di Catania.

Informatica.

Laurea.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Dal 17/07/2010 al 24/07/2010

*Pagina 4 - Curriculum vitae di
[Pigola, Giuseppe]*

International School on Mobile Computing and Communication: "Towards the next Generation of

Networks” tenutasi a Lipari (Italy).

- Dal 03/07/2010 al 10/07/2010 Scientific Committee alla International School on Computational Complex Systems: “Computational Complex Systems” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 18/07/2009 al 25/07/2009 International School on Computational Social Sciences: “Computational Models of Political and Social Events” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 13/06/2009 al 20/06/2009 International School on Bioinformatics and Computational Biology: “RNAs: structure, function and therapy” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 27/07/2008 al 10/08/2008 SWING08. Partecipazione alla III Bertinoro PhD school on Security of wireless networking tenutasi a Bertinoro (Italy).
- Dal 14/06/2008 al 21/06/2008 International School on Bioinformatics and Computational Biology: “Biological Networks: Evolution, Interaction and Computation” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 18/06/2005 al 25/06/2005 Partecipazione alla II International School on Advanced BioMedicine and Bioinformatics “Molecular Medicine, Medical Genomics, Bioinformatics” tenutasi a Pantelleria (Italy).
- Dal 11/07/2004 al 24/07/2004 Partecipazione alla XVI International School for Computer Science Researchers “Mobile Networks: Algorithms and Systems” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 29/05/2004 al 05/06/2004 Partecipazione alla I International School on Advanced BioMedicine and Bioinformatics “Molecular and Computational Analysis of Human Phenotype” tenutasi a Lipari (Italy).
- Dal 22/09/2003 al 24/09/2003 Partecipazione al modulo “Wireless ad Hoc Networks” tenuto dal Prof. M. Gerla (UCLA) nell’ambito della I International School on Mobile Computing svoltosi presso la Scuola Normale Superiore di Pisa (Italy).
- Dal 13/07/2003 al 26/07/2003 Partecipazione alla XV International School for Computer Science Researchers “Algorithmics for Data Mining and Pattern Discovery” tenutasi a Lipari (Italy) dal 13 al 26 Luglio 2003.

PUBBLICAZIONI: BOOK CHAPTER

- 2013 L. Cascione, A. Ferro, R. Giugno, G. Pigola, A. Pulvirenti, “Microarrays Data Analysis: From Prepreparation to Classification”. Book Title: “Biological Knowledge Discovery Handbook: Preprocessing, Mining and Postprocessing of Biological Data”, edited by Mourad Elloumi and Albert Y. Zomaya, to be published by Wiley. ISBN: 978-1-1181-3273-9
- 2013 Luciano Cascione, Alfredo Ferro, Rosalba Giugno, Alessandro Laganà, Giuseppe Pigola, Alfredo Pulvirenti, Dario Veneziano, “Elucidating the role of microRNAs in cancer through data mining techniques”, Book title: “MiRNA Cancer Regulation - Advanced Concepts, Bioinformatics and Systems Biology Tools”, edited by Schmitz, Olaf Wolkenhauer and Julio Vera, to be published by Springer New York. ISBN: 8-94-007-5589-5
- 2005 Cinzia Di Pietro, Alfredo Ferro, Giuseppe Pigola, Alfredo Pulvirenti, Michele Purrello, Marco Ragusa, Dennis Shasha, “AntiClustAl: Multiple Sequence Alignment by Antipole Clustering”. Book title: “Data Mining in Bioinformatics”, edited by Xindong Wu, Lakhmi Jain, Jason T. L. Wang, Mohammed J. Zaki, Hannu T. T. Toivonen, Dennis Shasha, Springer, 2005: 43-57, DOI 10.1007/1-84628-059-1_3

PUBBLICAZIONI: RIVISTE

- 2015 Alfredo Pulvirenti, Rosalba Giugno, Rosario Distefano, Giuseppe Pigola, Misael Mongioli, Girolamo Giudice, Vera Vendramin, Alessandro Lombardo, Federica Cattonaro and Alfredo Ferro, “A knowledge base for Vitis vinifera functional analysis”, *BMC*

- 2013 Rosalba Giugno, Alfredo Pulvirenti, Luciano Cascione, Giuseppe Pigola, Alfredo Ferro, "MIDClass: Microarray Data Classification by Association Rules and Gene Expression Intervals", *PLoS One*, 01/2013; 8:e69873. DOI:10.1371/journal.pone.0069873
- 2013 Carmelo Cassisi, Alfredo Ferro, Rosalba Giugno, Giuseppe Pigola, Alfredo Pulvirenti, "Enhancing density-based clustering: Parameter reduction and outlier detection", *Information Systems* 38(3): 317-330 (2013), DOI 10.1016/j.is.2012.09.001.
- 2011 S. Cristaldi, A. Ferro, R. Giugno, G. Pigola, A. Pulvirenti, "Obstacles Constrained Group Mobility Models in Event-Driven Wireless Networks with Movable Base Stations", *Ad Hoc Networks* 9 (2011), pp. 400-417, DOI information: 10.1016/j.adhoc.2010.07.004
- 2007 A. Ferro, R. Giugno, G. Pigola, A. Pulvirenti, C. Di Pietro, M. Purrello, M. Ragusa, "Sequence similarity is more relevant than species specificity in probabilistic backtranslation", *BMC Bioinformatics* 8 : 58, 2007. DOI:10.1186/1471-2105-8-58
- 2007 A. Ferro, R. Giugno, G. Pigola, A. Pulvirenti, D. Skripin, G. D. Bader, D. Shasha. "NetMatch: a Cytoscape Plugin for Searching Biological Networks" *Bioinformatics* Vol. 23, pp. 910-912, 2007 ISSN: 1367-4803. doi:10.1093/bioinformatics/btm032
- 2003 Ferro, G. Pigola, A. Pulvirenti, D. Shasha, "Fast Clustering and Minimum Weight Matching Algorithms for Very Large Mobile Backbone Wireless Networks", *International Journal of Foundations of Computer Science*, special Issue on Wireless Networks and Mobile Computing, I. Stojmenovic ed, Vol. 14 N. 2, April 2003. DOI: 10.1142/S0129054103001698

PUBBLICAZIONI: CONFERENZE

- 2014 Rosario Di Stefano, Alfredo Pulvirenti, Rosalba Giugno, Giuseppe Pigola, Misael Mongivi, Alfredo Ferro, "A knowledge-base for the vitis-vinifera functional analysis", *Bioinformatics Italian Society (BITS) Annual meeting*, 2014, Rome
- 2009 A. Ferro, R. Giugno, A. Laganà, M. Mongiovi, G. Pigola, A. Pulvirenti, G. Bader, D. Shasha, "miRScape: A Cytoscape Plugin to Annotate Biological Networks with microRNAs", *Network Tools and Applications in Biology (Nettab)*, Focused on Technologies, Tools and Applications for Collaborative and Social Bioinformatics Research and Development, Catania, June 10 -13, 2009
- 2008 V. Svicher, C. Alteri C, A. Laganà, G. Pigola, S. Dimonte, C. Mussini, F. Forbici, A. Ferro, P. Narciso, A. Antinori, F. Ceccherini-Silberstein, C. F. Perno, "Synonymous Mutations are Involved in the Highly Ordered Regulation of NRTI Resistance", *XVII International HIV Drug Resistance Workshop – Melia Sitges, Spain, June 10-14 2008. Antiviral Therapy* 13:S3A62 (2008).
- 2006 A. Ferro, R. Giugno, M. Mongiovi, G. Pigola, A. Pulvirenti, "Distributed Clustering and Closest-Match Motion Planning Algorithms for Wireless Ad-Hoc Networks with Movable Base Stations", *Med-Hoc-Net 2006*, (pp. 53-59). Isbn/Issn: 88-902405-1-2
- 2006 A. Ferro, R. Giugno, M. Mongiovi, G. Pigola, A. Pulvirenti, "Distributed Antipole Clustering for Efficient Data Search and Management in Euclidean and Metric Spaces", *IEEE International Parallel & Distributed Processing Symposium*, Rhodes Island, Greece, April 2006. DOI: 10.1109/IPDPS.2006.1639313
- 2003 C. Di Pietro, V. di Pietro, G. Emmanuele, A. Ferro, T. Maugeri, E. Modica, G. Pigola, A. Pulvirenti, M. Purrello, M. Ragusa, M. Scalia, D. Shasha, S. Travali, V. Zimmitti, "ANTICLUSTAL: Multiple Sequence Alignment by Antipole Clustering and Linear Approximate 1-Median Computation", *IEEE Computer Society Bioinformatics Conference*, 2003, (USA). DOI: 10.1109/CSB.2003.1227333

PUBBLICAZIONI: COMUNICAZIONI

- 2009 Bonnici V., Di Natale R., Ferro A., Giugno R., Mongiovi M., Pigola G., Pulvirenti A., Shasha D., "Enhancing Graph Database Indexing By Suffix Tree Structure", BITS, 18-20 Marzo 2009, Genova, Italy
- 2006 R. Giugno, D. Skripin, A. Pulvirenti, G. Pigola, D. Reforgiato, M. Ragusa, C. Di Pietro, S. Guccione, M. Purrello, D. Shasha, A. Ferro. "GraphBlast: A Fast and Universal Method for Querying Graphs", World Pharmaceutical Congress, May 23-25 2006 Pennsylvania Convention Center - Philadelphia, PA (USA).
- 2004 C. Di Pietro, A. Ferro, R. Giugno, A. Lagana', G. Pigola, A. Pulvirenti, M. Purrello, M. Ragusa "AntiClustAl: Multiple Sequence Alignment by Antipole Clustering", CNB7 - 7th National Biotechnology Congress – Catania, 8-10 Settembre 2004, Italy.
- 2003 C. Di Pietro, M. Ragusa, A. Pulvirenti, A. Messina, R. Giugno, E. Modica, A. Rapisarda, V. Giunta, G. Pigola, V. Zimmiti, V. Di Pietro, K. H. Grzeschik, R. Roeder, A. Ferro, M. Purrello, "Identificazione ed analisi evolutiva di THG, un gene umano caratterizzato da elevata omologia a TBP, mediante un approccio combinato di biologia sperimentale e di biologia computazionale", 6° Congresso della Associazione Italiana di Biologia e Genetica generale e molecolare (AIBG), Giardini, Messina, 1-5 Ottobre 2003, Italy.
- 2003 M. Purrello, C. Di Pietro, M. Ragusa, A. Pulvirenti, G. Pigola, R. Giugno, E. Modica, V. Zimmiti, V. Di Pietro, T. Maugeri, G. Emmanuele, S. Travali, M. Scalia, D. Shasha, A. Ferro, "La clonazione in vitro ed in silico di SOD2 di *Xenopus Laevis* e la sua analisi evolutiva mediante Anticlustal, un nuovo programma per l'allineamento multiplo, dimostrano un'elevata conservazione della sua sequenza aminoacidica durante l'evoluzione", Associazione Italiana di Biologia e Genetica AIBG (www.aibg.it), 1-5 Ottobre 2003, Italy

VISITING

- Dal 09/09/2009 al 10/10/2009 Visiting presso Courant Institute of Mathematical Sciences, New York University (Prof. Dennis Shasha e Prof. Bud Mishra).
- Dal 15/02/2009 al 15/03/2009 Visiting presso UMIACS, Università del Maryland (Prof. Vs Subrahmanian).
- Dal 03/09/2008 al 29/09/2008 Visiting presso la New York University (Prof. Dennis Shasha and Prof. Bud Mishra).
- Dal 23/08/2007 al a15/09/2007 Visiting presso Courant Institute of Mathematical Sciences, New York University (Prof. Dennis Shasha).
- Dal 05/2006 al 06/2006 Visiting presso Courant Institute of Mathematical Sciences, New York University (Prof. Dennis Shasha).
- Dal 01/08/2005 al 30/08/2005 Visiting presso Courant Institute of Mathematical Sciences, New York University (Prof. Dennis Shasha).

COLLABORAZIONI

Collaborazione con il Prof. Charles Lawrence della Brown University per lo sviluppo di modelli probabilistici (Hidden Markov Models) per la predizione di target di miRNA.

Collaborazione con Il Prof. Dennis Shasha e Bud Mishra del Courant Institute of Mathematical Sciences, New York University, per lo sviluppo di varie tecniche di data mining, algoritmi per Mobile Wireless Networks e Motion Planning.

Collaborazione con Il Prof. Gary Bader dell'Università di Toronto e con il Memorial Sloan Kettering Cancer Center per lo sviluppo di alcuni software per l'analisi di network biologiche.

Collaborazione con il Prof. Vs Subrahmanian del UMIACS, Università del Maryland per lo sviluppo di nuovi algoritmi su grandi grafi per l'analisi di Social Networks.

Collaborazione con il gruppo del Prof. Perno dell'Università di Roma Tor Vergata per lo sviluppo di software per l'analisi di mutazioni in sequenze di DNA coinvolte nell'HIV.

CERTIFICAZIONI

Certificazione Microsoft IC3.

Certificazione Microsoft MOS Word,Excel.

Certificazione Microsoft IQ Center Administrator.

CAPACITÀ E COMPETENZE

PERSONALI

Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUA

INGLESE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

BUONO

BUONO

DISCRETO

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

OTTIME CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI ACQUISITE DURANTE I PERIODI DI VISITA E STUDIO PRESSO UNIVERSITÀ STRANIERE ED ITALIANE E DURANTE I NUMEROSI CORSI DI SPECIALIZZAZIONE SEGUITI NEI VARI ANNI.

CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

OTTIME CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE ACQUISITE NELL'ARCO DI QUASI 10 ANNI DI LAVORO PRESSO IL DIPARTIMENTO DI MATEMATICA E INFORMATICA DELL'UNIVERSITÀ DI CATANIA, NEI QUALI HA SVOLTO ATTIVITÀ DI TUTORAGGIO PER DIVERSE MATERIE UNIVERSITARIE QUALI AD ESEMPIO BIOINFORMATICA, DATABASE E INFORMATICA.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

ALGORITMI, DATA MINING, GRAPH MATCHING, NEXT GENERATION SEQUENCING, HIDDEN MARKOV MODELS, BIOINFORMATICA, NETWORK BIOLOGICHE.

COMPETENZE TECNICHE APPROFONDITE DEI SISTEMI OPERATIVI LINUX E WINDOWS.

PROGRAMMAZIONE AVANZATA CON I LINGUAGGI: JAVA, C++, C#, PYTHON, C, PASCAL, FORTRAN 77, SCHEME, PROLOG, SETL2, PERL, PHP, JAVASCRIPT, HTML E PROGRAMMAZIONE CGI.

PROGRAMMAZIONE AVANZATA NELL'AMBIENTE DI SVILUPPO NETWORK SIMULATOR 2. RETI WIRELESS E RETI DI SENSORI.

SVILUPPO DI APP PER ANDROID E IOS, PROGRAMMAZIONE ANDROID, CORDOVA, IONIC, ANGULARJS, OBJECTIVE C.

DATABASE: MSQL, MYSQL, ACCESS.

MICROSOFT WORD, EXCEL, ACCESS, FRONTPAGE, OUTLOOK, POWERPOINT, PUBLISHER. OPENOFFICE PER LINUX AND WINDOWS.

MANIPOLAZIONE DI DATI DI NEXT GENERATION SEQUENCING, ASSEMBLY "DE NOVO", ASSEMBLY

RISPETTO A UN REFERENCE, TRIMMING E CONTAMINANT CLEANING, ERROR CORRECTION, SCAFFOLDING, SNP/INDEL CALLING, DIFFERENTIAL EXPRESSION ANALYSIS DI DATI DI RNA-SEQ, ANALISI DEL MICROBIOMA DI ORGANISMI, SMALLRNA E LNCRNA DETECTION, UTILIZZO DI TOOL DI NGS QUALI SAMTOOLS, BEDTOOLS, BCFTOOLS, VCFTOOLS, FASTX TOOLKIT, GATK, BWA, BOWTIE, VELVET, BLAST, MIRDEEP2, MIRDEEP-P, CUFFLINKS, CUFFDIFF, TOPHAT2, CUTADAPT, ABYSS, SGA, QUAKE, SOAPDENOV0, SSPACE, SOPRA, OPERA, ALLPATHS-LG, GRAMMY, ETC.

SIN DAL 2002 HA LAVORATO, PRIMA DURANTE IL DOTTORATO DI RICERCA, POI COME ASSEGNISTA DI RICERCA E CON SVARIATI CONTRATTI DI RICERCA NELL'AMBITO DELLA RICERCA E SVILUPPO SPERIMENTALE.

PATENTE O PATENTI

PATENTE DI GUIDA B